流行病學暨生物統計專欄(八)

類別變項與連續變項間的統計方法(II)

林明瀅

台北榮民總醫院感染管制委員會

(續上期)*兩組配對資料的比較 配對樣本是二組樣本的資料是相關連

的,配對的方式有多種:

- (1)同一個體,兩個部位。
- (2)同一人,先做某測量,給予實驗因素之刺激(如給藥),再做同樣的測量。
- (3)同卵雙胞胎,隨機分派。
- (4)同一胎之動物。
- (5)二個不同個體,但在可能影響測量結果 之諸多因子上,儘量求其相同(casecontrol study)

配對檢定的靈敏度較高,可以用較少的樣本,而達到判定某體實驗結果是否引起差別的目的。

prired t-test (母數統計法)

- 1. 適用條件:
 - (1)兩相依樣本(即相同人,在不同時間做測量)
 - (2)資料來自常態分配。
- 2. 假設檢定:

治療前、後差值之平均數等於0。

- 3.檢定程序:
 - (1)檢定治療前、後差值是否來自常態分配。
 - (2)檢定治療前、後差值平均數是否有 顯著不等於0。
- 4.檢定統計量之計算公式:

Ud=U1=U2,Sd為前後差值的平均數

t=d-Ud/(Sd/n)

5.範例:

若研究者隨機抽取10名高血壓的病患,測量給予2mg Reserpine前後半小時之收縮壓值,請問治療前後之升壓值是否有所不同?

- 6.經SAS統計軟體的運算
 - (1)先檢定二組資料是否來自常態分配,其P值分別0.9092無法推翻此組資料不是來自常態分配,所以可用prired t-test進行分析。
 - (2)進行prired t-test, P值為0.0318表示 治療前、後差值的平均數顯著不接 近0,由差值之樣本平均數等於一 4.30,可知治療後之收縮壓確實有 顯著下降。

7.決策原則:

- (1)在比較測量方法或給予某治療或訓練前後之某測量值時,其分析方法 是先求二個方法間差值的次數分配 圖。
 - ①全部的差別都很小(d~0,sd~0),代表兩方法類同。
 - ②全部差別相似(d~20,sd~0) 代表兩方法有固定差別值。
 - ③差别有大有小,有正有負(d~0,sd大),代表兩方法不同,差別何在,即需以統計方法進一步探討。

Wilcoxon paired signed-ranks test (無母數統計法)

1.適用條件:

- (1)兩相依樣本。
- (2)小樣本(5<n<25)。
- (3)相當於母數統計法paired t-test。
- (4)名義變項一次序變項。
- 2. 假設檢定:

各配對組是否有顯著差異?

- 3. 檢定程序:
 - (1)檢定各配對差值是否來自常態分配的母體?
 - (2)各配對組是否有顯著差異?
- 4.計算方式:
 - (1) 先求出每對之差值。
 - (2)將差值依相對大小之序排出(即依 絕對值大小排序)。
 - (3)恢復原來的正負號。
 - (4)各別求正數及負數之次序和。
 - (5)取次序和較小的值與查Wilcoxon p aired signed-ranks test表樣本數所本對的臨界值比較。
 - (6)所計算出之T值小於或等於查表的 臨界值時,便拒絕虛無假設,而認 為兩者有差異。

5.範例:

某研究者欲了解新藥N是否於治療黴菌感染所需時間比舊藥B較短,從年齡、性別、疾病、診斷相同的病患二人,分別給予藥物N及藥物B,共有24組配對,其結果如下:

- (1)求出每對差值及排相對大小次序。
- (2)求正數、負數個別的次序和。
 - (+): 6+2+1+17+6+9+13+11=67
 - (-): 20+10+22+11+23+19+21+24+ 18+2+12+2+15+16+6+2=222
- (3)查表

較小T值為67經查Wilcoxon paired

signed-ranks test 臨界值表n=24, T=81.67 < 81拒絕虛無假設,所以 兩組差值不等於0,且樣差值均數 為-26.04代表新藥的治療天數較 短。

6.由SAS統計軟體的運算

- (1)檢定各配對組差值是否來自常態分配,其P值為0.0001,表示推翻虛無假設,其差值並不是來自常態分配,必須用無母數統計法。
- (2)以Wilcoxon paired signed-ranks tes t進行分析,P值為0.015拒絕虛無假設,所以兩組差值不等於0,且差值平均為-26.04代表新藥的治療天數較短。

7.決策原則:

- (1)有一個大略的計巧可以判定資料是 否來自常態分配,樣本數大於15且 標準差小於1/4平均值則認為資料 是來自常態分配。
- (2)當兩組之樣本數都小於20,則查W ilcoxon paired signed-ranks test臨界值表。

結語